

## 1 Inhalt


<b>Institut für Pathologie</b>	<b>Fax-Nr.: 557-1295</b>
<b>Patienten-/Falldaten (ggf. Aufkleber)</b>  Name, Vorname: .....  Geburtsdatum: ..... Geschlecht <input type="checkbox"/> m <input type="checkbox"/> w  Kostenträger: .....  Ihr Zeichen: .....	Klinikstempel
<b>Institut für Pathologie</b>  <b>Direktorin: Prof. Dr. med. Claudia Wickenhauser</b>  Magdeburger Str. 14 06112 Halle (Saale)  <b>Sektion Molekulare Diagnostik</b> <b>Leitung: (0345) 557 5033</b> <b>Labor: (0345) 557 4751</b>	
<b>Bitte für eventuelle Rückfragen angeben!</b> Tel.: .....	
Name / Unterschrift der/des behandelnden Ärztin/Arztes	

<input type="checkbox"/> ambulant <input type="checkbox"/> stationär <input type="checkbox"/> GKV <input type="checkbox"/> PKV <input type="checkbox"/> CA
--

<b>Angaben zur Probe – Bitte sorgfältig ausfüllen</b> (Angaben haben Einfluss auf die Auswahl des Testverfahrens)	
<b>Materialbeschreibung</b>	<input type="checkbox"/> FFPE <input type="checkbox"/> Blut <input type="checkbox"/> Liquid Biopsy <input type="checkbox"/> anderes: .....
<b>Klinische Angaben</b> <small>(klinische Tumordiagnose und Lokalisation sind dringend erforderlich)</small>	

Eilige Bearbeitung

<b>Fasttrack-Diagnostik (Einzeltestanalysen)</b>			
<b>NSCLC</b> <input type="checkbox"/> NGS-Panel (alle Marker) <input type="checkbox"/> KRAS Kodon 12/13 <input type="checkbox"/> BRAF Kodon 600 <input type="checkbox"/> EGFR Hot Spot <input type="checkbox"/> ALK-Translokation <input type="checkbox"/> ROS1-Translokation <input type="checkbox"/> RET-Translokation <input type="checkbox"/> NTRK1/2/3 <input type="checkbox"/> EGFR T790M (Liquid Biopsy) <input type="checkbox"/> MET-Amplifikation <input type="checkbox"/> MET Exon 14 Skipping <b>Malignes Melanom</b> <input type="checkbox"/> BRAF Kodon 600 <input type="checkbox"/> NRAS Kodon 61 <input type="checkbox"/> Kit Exon 9, 11, 13, 17 <input type="checkbox"/> Chromosom 3 Monosomie <input type="checkbox"/> GNA11 Kodon 209 <input type="checkbox"/> GNAQ Kodon 209 <b>Ovarial-/Mammakarzinom</b> <input type="checkbox"/> BRCA1/2 (NGS) <input type="checkbox"/> ERBB2/HER2Neu-Amplifikation <input type="checkbox"/> ESR1 (NGS) <input type="checkbox"/> PIK3CA Exon 7, 9, 20	<b>Kolorektales Karzinom</b> <input type="checkbox"/> RAS <input type="checkbox"/> BRAF Kodon 600 <input type="checkbox"/> MSI mittels PCR <input type="checkbox"/> MLH1-Promotormethylierung <input type="checkbox"/> ERBB2/Her2Neu-Amplifikation <b>Endometriumkarzinom</b> <input type="checkbox"/> POLE (NGS) <input type="checkbox"/> TP53 (NGS) <input type="checkbox"/> MSI mittels PCR <input type="checkbox"/> MLH1-Promotormethylierung <b>Schilddrüse</b> <input type="checkbox"/> RAS <input type="checkbox"/> BRAF Kodon 600 <input type="checkbox"/> RET Kodon 918 <input type="checkbox"/> RET-Translokation <input type="checkbox"/> TERT C228T, C250T <b>GIST</b> <input type="checkbox"/> KIT Exon 9, 11, 13, 17 <input type="checkbox"/> PDGFRA Exon 12, 14, 18 <input type="checkbox"/> BRAF Kodon 600 <b>Gallengangs-Karzinom</b> <input type="checkbox"/> FGFR2-Fusion <input type="checkbox"/> IDH1 Kodon 132	<b>Prostata-/Pankreaskarzinom</b> <input type="checkbox"/> BRCA1/2 (NGS) <b>Tumorsuppressoren</b> <input type="checkbox"/> TP53 (NGS) <input type="checkbox"/> PIK3CA Exon 7, 9, 20 <b>Promotormethylierung</b> <input type="checkbox"/> MLH1 <b>Weitere Mutationsanalysen</b> <input type="checkbox"/> CTNNB1 <input type="checkbox"/> FOXL2 <input type="checkbox"/> GNAS Kodon 201, 227 <input type="checkbox"/> GNAQ Kodon 209 <input type="checkbox"/> GNA11 Kodon 209 <input type="checkbox"/> HRAS Kodon 61 <input type="checkbox"/> PRKD1 <input type="checkbox"/> FGFR <input type="checkbox"/> DPYD-Polymorphismus  <b>Amplifikationen</b> <input type="checkbox"/> ERBB2/HER2Neu <input type="checkbox"/> MDM2 <input type="checkbox"/> MET	<b>Prädiktive IHC-Marker</b> <input type="checkbox"/> PD-L1 <input type="checkbox"/> NTRK <input type="checkbox"/> HER2-Neu <input type="checkbox"/> ALK <input type="checkbox"/> ROS <input type="checkbox"/> MMR-Proteine <b>Fusionsnachweis (CISH oder RNA)</b> <input type="checkbox"/> ALK <input type="checkbox"/> DDIT3 <input type="checkbox"/> EGFR (NGS) <input type="checkbox"/> EWSR1 <input type="checkbox"/> FGFR1/2/3 <input type="checkbox"/> FUS <input type="checkbox"/> NTRK1/2/3 <input type="checkbox"/> RET <input type="checkbox"/> ROS1 <input type="checkbox"/> SYT (SS18) <input type="checkbox"/> USP6

 <b>UKH</b> Universitätsklinikum Halle (Saale)	<b>Probenbearbeitung: Molekularpathologischer          Untersuchungsauftrag Allgemein</b>	<b>F</b>
	Version 1.0 / gültig ab 03.02.2023	Seite 2 von 2

weitere Gene auf Anfrage: .....

<b>Next Generation Sequencing (Paneldiagnostik)</b>
<input type="checkbox"/> AmoyDX HANDLE Classic Panel (FFPE; SNV, InDels, Fusionen, CNV, MSI, 40 Gene) z.B. Lungenkarzinom, Endometriumkarzinom, GIST, Melanom, kolorektales Karzinom, medulläres Schilddrüsenkarzinom
<input type="checkbox"/> AmoyDX HANDLE HRR Panel (FFPE; SNV, InDels, CNV, 32 Gene) z.B. BRCA1/2-Mutationsanalyse beim Prostatakarzinom, Pankreaskarzinom
<input type="checkbox"/> AmoyDX HRD Focus Panel (FFPE; BRCA1/2, GSS) z.B. BRCA1/2-Mutationsanalyse und HRD-Score beim Ovarialkarzinom
<input type="checkbox"/> AmoyDX Essential Panel (FFPE, Liquid Biopsy; SNV, InDels, Fusionen, 10 Gene) z.B. primäre Mutationsanalyse beim Lungenkarzinom an Liquid Biopsy
<input type="checkbox"/> AmoyDX Comprehensive Panel (FFPE, Liquid Biopsy; SNV, InDels, Fusionen, CNV, MSI, 110 Gene) z.B. FGFR2-Fusionen beim Gallengangskarzinom
<input type="checkbox"/> Archer FusionPlex Sarcoma v2 (FFPE; 63 Gene)
<input type="checkbox"/> Illumina TruSight Oncology 500 (FFPE; SNV, InDels, Fusionen, CNV, MSI, TMB, 523 Gene)

## 2 Archivierung

- gemäß aktuell geltender Qualitätsmanagementvorgaben